

RESUMEN DE TESIS DE LICENCIATURA: ANÁLISIS DEL LINAJE MATERNO
DE POBLADORES DE TABUCO DURANTE EL PERIODO POSCLÁSICO

BACHELOR'S THESIS SUMMARY: ANALYSIS OF THE MATERNAL LINEAGE
OF INHABITANTS OF TABUCO DURING THE POSTCLASSIC PERIOD

Carlos Alberto Corachan Espinoza

*Universidad Nacional Autónoma de México, Facultad de Ciencias Políticas
y Sociales. carlosalberto.ce@politicas.unam.mx*

Este estudio contribuye al conocimiento de la genética de poblaciones en la Huasteca veracruzana mediante el análisis del linaje materno de restos humanos recuperados en el sitio arqueológico de Tabuco. Mediante el uso de técnicas de análisis genético de poblaciones antiguas, en específico de ADN mitocondrial, se comprende la variabilidad genética y los posibles patrones de migración en la región durante el periodo Posclásico. Los objetivos fueron identificar el haplogrupo mitocondrial de cada individuo, aportar a la base de datos sobre herencia materna en la población mexicana a través de muestras arqueológicas y llevar a cabo análisis comparativos con poblaciones prehispánicas y modernas. Los resultados sugieren una similitud genética entre los pobladores de Tabuco y las poblaciones de la región maya, con lo que respaldan propuestas lingüísticas sobre el parentesco del idioma huasteco con las lenguas mayenses.

El primer capítulo contextualiza la región de la Huasteca y el sitio arqueológico de Tabuco, ubicado en el municipio de Tuxpan de Rodríguez de Cano, Veracruz. Describe la delimitación geográfica-política actual de

Estudios de Antropología Biológica, XXII-2: xx-xx, México, 2024.

DOI: 10.22201/ia.14055066p.2024.87922

ISSN: en trámite. Éste es un artículo Open Access bajo la licencia CC-BY-NC 4.0 DEED (<https://creativecommons.org/licenses/by/4.0/>)

la Huasteca, luego se menciona la discusión académica sobre su origen y distribución cultural.

Se hace una revisión de diversas propuestas sobre el origen lingüístico de los huastecos, así como de la fecha de la separación del tronco proto-mayense, si éste ocurrió dentro de la región Huasteca o en otras áreas. También se presentan evidencias arqueológicas y lingüísticas que sugieren vínculos culturales y genéticos con las regiones mayas.

Se detallan los trabajos arqueológicos realizados en Tabuco, en específico durante los proyectos de salvamento arqueológico en el sitio bajo la conducción de la dra. María Eugenia Maldonado Vite, que han revelado información sobre la ocupación y la evolución del sitio a lo largo del tiempo.

El segundo capítulo explica la importancia del ADN antiguo (ADNA) como herramienta en la investigación antropológica, una breve historia de las investigaciones de ADNA, así como los desafíos y precauciones que se deben tener en cuenta al manipular este material genético.

Se explican las características del ADN mitocondrial y por qué es preferible su uso frente al nuclear en estudios de ADNA, también las particularidades de los haplogrupos mitocondriales y su relación con los orígenes geográficos de las poblaciones humanas a partir de su linaje materno, se puntualiza que en México los haplogrupos mitocondriales comunes en comunidades indígenas son el A, B, C y D.

En el tercer capítulo se describen las muestras utilizadas en la investigación y el proceso de extracción y genotipificación. Se examinaron 16 muestras de restos óseos provenientes del Salvamento Arqueológico Gas Natural del Noroeste. Se seleccionaron fragmentos de huesos largos, de un tamaño aproximado de entre 3 y 5 cm y un peso aproximado de 1 gramo.

Los entierros utilizados se registraron en el Sistema Único de Registro Público de Monumentos y Zonas Arqueológicas e Históricas del INAH, conforme a lo establecido en la legislación vigente que considera a los esqueletos que se encuentran en zonas arqueológicas como parte del patrimonio cultural.

En cuanto al proceso de extracción de ADNA, se siguió el protocolo estandarizado del Laboratorio de Genética del IIA, junto con el protocolo de extracción automática con el *kit* PrepFiler Express BTA™ Forensic DNA Extraction Kit. Se siguieron procedimientos de PCR y genotipificación por medio de análisis de enzimas de restricción.

Finalmente, se realizaron los análisis estadísticos de componentes principales (ACP) y molecular de varianza (Amova) para inferir posibles relaciones genéticas entre las poblaciones estudiadas y otras poblaciones de referencia.

El cuarto capítulo se presentan los resultados. Se reitera la dificultad asociada al análisis de ADNA debido a la degradación del material óseo, especialmente en condiciones climáticas tropicales. De los 16 individuos analizados, sólo 9 proporcionaron resultados confiables.

Se reportan las frecuencias de haplogrupos de los individuos analizados, así como las de poblaciones, principalmente, de cuenca de México y mayenses usadas en las comparaciones poblaciones.

Se describen los Amova para evaluar la variación genética entre grupos basada en diferencias lingüísticas y temporales, así como entre poblaciones antiguas y modernas. Los resultados sugieren una posible relación genética entre Tabuco y poblaciones mayas antiguas, como Xcaret, Chichén Itzá y Bonampak. Más adelante se muestran las distancias genéticas mediante la matriz de Slatkin y se discuten las similitudes genéticas entre Tabuco y otras poblaciones estudiadas.

El capítulo cinco consiste en la discusión. A pesar de las dificultades del estudio de poblaciones antiguas, los resultados obtenidos proporcionan información valiosa sobre la diversidad genética de los grupos prehispánicos en la región de la Huasteca.

Uno de los aspectos más relevantes en este trabajo de investigación fue la identificación de una posible conexión genética entre Tabuco y otros grupos de habla mayense, como Xcaret y Bonampak, lo que sugiere la existencia de relaciones genéticas y lingüísticas entre estas poblaciones. Sin embargo, es importante tener en cuenta que es necesario realizar más investigaciones en el área de la Huasteca.

El análisis de los haplogrupos mitocondriales reveló que, por el momento, el haplogrupo A es el más frecuente en Tabuco, lo que concuerda con resultados en otras poblaciones antiguas. Los Amova respaldaron la hipótesis de una mayor afinidad genética y lingüística entre Tabuco y los grupos mayenses en comparación con las poblaciones de la cuenca de México. Estos resultados sugieren que los factores lingüísticos y culturales pueden haber desempeñado un papel importante en la estructuración genética de las poblaciones estudiadas.

Por último, se discuten los desafíos y avances en el análisis de ADNA, así como recomendaciones para futuros estudios. Se destaca la importancia de

ampliar la muestra de estudio, implementar técnicas adicionales, como la secuenciación y la PCR en tiempo real, y considerar análisis en otros conjuntos arqueológicos de Tabuco y sitios arqueológicos contemporáneos y cercanos geográficamente para obtener una imagen más completa de la diversidad genética en la región.

AGRADECIMIENTOS

Se agradece a la doctora Ana Julia Aguirre Samudio por dirigir este trabajo de tesis y al sínodo conformado por la doctora Blanca Zoila González Sobrino, el doctor Carlos Serrano Sánchez, la doctora Rocío Hernández Flores y la doctora Ana Itzel Juárez Martín por sus observaciones y comentarios. Un agradecimiento especial al Programa de Apoyo a Proyectos de Investigación e Innovación Tecnológica IN402023, al Instituto Nacional de Antropología e Historia, al Consejo de Arqueología (por el permiso otorgado) y a la doctora María E. Maldonado Vite.

REFERENCIA

CORACHAN ESPINOZA, C. A.

- 2023 “Análisis del linaje materno de pobladores de Tabuco durante el período Posclásico”. Tesis, Facultad de Ciencias Políticas y Sociales, Universidad Nacional Autónoma de México, México, <https://tesisunam.dgb.unam.mx/F/B9U3XMCIDMTCNQAXUAAJ1HDTV6QEMJPRVUB21TL776XHQXKYQBD-29862?func=service&doc_library=-TES01&doc_number=000846836&line_number=0001&func_code=WEB-BRIEF&service_type=MEDIA>.